



ҚАЗАҚСТАН РЕСПУБЛИКАСЫ ҒЫЛЫМ  
ЖӘНЕ ЖОҒАРЫ БІЛІМ МИНИСТРЛІГІ

А.БАЙТҰРСЫНОВ АТЫНДАҒЫ  
ҚОСТАНАЙ Өңірлік университеті



## **СУЛТАНҒАЗИН ОҚУЛАРЫ**

«ҚАЗІРГІ БІЛІМ БЕРУДІ ДАМУДЫҢ  
ӨЗЕКТІ МӘСЕЛЕЛЕРІ»

ХАЛЫҚАРАЛЫҚ  
ҒЫЛЫМИ-ПРАКТИКАЛЫҚ  
КОНФЕРЕНЦИЯ

## **МАТЕРИАЛДАРЫ**

## **СУЛТАНҒАЗИНСКИЕ ЧТЕНИЯ**

## **МАТЕРИАЛЫ**

МЕЖДУНАРОДНОЙ  
НАУЧНО-ПРАКТИЧЕСКОЙ  
КОНФЕРЕНЦИИ  
«АКТУАЛЬНЫЕ ВОПРОСЫ  
РАЗВИТИЯ СОВРЕМЕННОГО  
ОБРАЗОВАНИЯ»



УДК 378 (094)  
ББК 74.58  
Қ 22

#### РЕДАКЦИЯ АЛҚАСЫ/ РЕДАКЦИОННАЯ КОЛЛЕГИЯ

**Куанышбаев Сеитбек Бекенович**, А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университетінің Басқарма Төрағасы – Ректоры, география ғылымдарының докторы, Қазақстан Педагогикалық Ғылымдар Академиясының мүшесі; / Председатель Правления – Ректор Костанайского регионального университета имени А.Байтұрсынова, доктор географических наук, член Академии Педагогических Наук Казахстана;

**Жарлыгасов Женис Бахытбекович**, А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университетінің Зерттеулер, инновация және цифрландыру жөніндегі проректоры, ауыл шаруашылығы ғылымдарының кандидаты, қауымдастырылған профессор / проректор по исследованиям, инновациям и цифровизации Костанайского регионального университета им. А.Байтұрсынова, кандидат сельскохозяйственных наук, ассоциированный профессор;

**Хуснутдинова Ляйля Гельсовна**, тарих ғылымдарының кандидаты, «Мәскеу политехникалық университеті» Федералды мемлекеттік автономды жоғары білім беру мекемесінің доценті, Ресей / кандидат исторических наук, доцент Федерального государственного автономного образовательного учреждения высшего образования «Московский политехнический университет», Россия;

**Сухов Михаил Васильевич**, техника ғылымдарының кандидаты, Оңтүстік- Орал мемлекеттік университетінің (ООМУ) доценті, Челябині, Ресей/кандидат технических наук, доцент Южно-Уральского государственного университета (ЮУрГУ), г. Челябинск, Россия;

**Радченко Татьяна Александровна**, жаратылыстану ғылымдарының магистрі, А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университетінің «Физика, математика және цифрлық технологиялар» кафедрасының меңгерушісі / магистр естественных наук, заведующая кафедрой «Физики, математики и цифровых технологий» Костанайского регионального университета им. А.Байтұрсынова;

**Алимбаев Алибек Алпысбаевич**, PhD докторы, А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университетінің «Физика, математика және цифрлық технологиялар» кафедрасының қауымдастырылған профессорының м.а. / доктор PhD, и.о.ассоциированного профессора кафедры «Физики, математики и цифровых технологий» Костанайского регионального университета им. А.Байтұрсынова;

**Телегина Оксана Станиславовна**, А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университетінің «Физика, математика және цифрлық технологиялар» кафедрасының аға оқытушысы / старший преподаватель кафедры «Физики, математики и цифровых технологий» Костанайского регионального университета им. А.Байтұрсынова;

**Шумейко Татьяна Степановна**, педагогика ғылымдарының кандидаты, А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университетінің «Физика, математика және цифрлық технологиялар» кафедра профессорының м.а. / кандидат педагогических наук, и.о. профессора кафедры «Физики, математики и цифровых технологий» Костанайского регионального университета им. А.Байтұрсынова

Қ 22

«Қазіргі білім беруді дамытудың өзекті мәселелері»: «СҰЛТАНҒАЗИН ОҚУЛАРЫ-2023» Халықаралық ғылыми-тәжірибелік конференцияның материалдары, 2023 жылдың 15 наурызы. Қостанай: А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университеті, 2023. – 427 б.

«Актуальные вопросы развития современного образования»: Материалы международной научно-практической конференции «СУЛТАНҒАЗИНСКИЕ ЧТЕНИЯ-2023», 15 марта 2023 года. Костанай: Костанайский региональный университет имени А.Байтұрсынова, 2023. – 427 с.

ISBN 978-601-356-257-5

«Сұлтанғазин оқулары-2023» халықаралық ғылыми-тәжірибелік конференциясының «Заманауи білім беруді дамытудың өзекті мәселелері» жинағында жаратылыстану-ғылыми білім берудің мәселелері мен болашағына арналған ғылыми мақалалар жинақталған, жалпы және кәсіптік білім берудің психологиялық-педагогикалық аспектілері қарастырылған, педагогикалық білім берудің ақпараттандыру және дамытудың қазіргі тенденциялары мен технологиялары мәселелері қозғалады.

Осы жинақтың материалдары ғалымдар мен жоғары оқу орындарының оқытушыларына, магистранттар мен студенттерге пайдалы болуы мүмкін.

В сборнике Международной научно-практической конференции «Султангазинские чтения-2023» «Актуальные вопросы развития современного образования»: представлены научные статьи по проблемам и перспективам естественно-научного образования, рассматриваются психолого-педагогические аспекты общего и профессионального образования, затронуты вопросы информатизации и современных тенденций и технологий развития педагогического образования.

Материалы данного сборника могут быть интересны ученым, преподавателям высших учебных заведений, магистрантам и студентам.

ISBN 978-601-356-257-5



9|786013|562575|

УДК 378 (094)  
ББК 74.58

© А.Байтұрсынов атындағы Қостанай өңірлік университеті, 2023  
© Костанайский региональный университет имени А.Байтұрсынова, 2023

с одноклассниками в общении и улучшить отношения, помогая друг другу. Она учит не бояться задавать вопросы друг другу».

Итоговое анкетирование учащихся показало, что по окончании проведенного исследования у ребят наблюдается прогресс в следующих аспектах:

**у ученика-А:**

*социальные:* обсуждает, когда и как, выполнять задания, может решать социальные проблемы с ровесниками;

*эмоциональные:* может беседовать о собственном поведении и последствиях и о поведении и последствиях других;

*когнитивные:* может рассказать о том, как они сделали что-то или чему они научились; может обоснованно принимать решения и делать выбор;

*мотивационные:* признает, что решение проблем легче, если есть с кем их обсудить.

**у ученика-В:**

*эмоциональные:* контролирует внимание, сопротивляется отвлекающим моментам;

*социальные:* понимает чувства других, помогает и подбадривает; обсуждает, когда и как выполнять задания;

*когнитивные:* может рассказать о том, как они сделали что-то или чему они научились, осознает, что самооценка собственных знаний должна быть объективной;

*мотивационные:* становится инициатором заданий.

**у ученика-С:**

*эмоциональные:* контролирует прогресс, может самостоятельно выступать в роли спикера от группы;

*социальные:* может решать социальные проблемы с ровесниками; понимает свою роль в группе;

*мотивационные:* стойко переносит трудности;

*когнитивные:* знает собственные возможности.

Обучение в сотрудничестве развивает детей, так как они знакомятся с разными точками зрения других учеников, учатся высказывать свое мнение, приводить аргументы, защищать свои идеи и идеи группы.

Создание коллаборативной среды способствовало лучшему усвоению информации, активному участию в процессе обучения всех детей, позитивно повлияло как на уровень мотивации к изучению предмета, так и школьной мотивации.

На этом основании можно сделать вывод, что нашими учениками сделаны первые шаги к саморегулируемому обучению.

**Список литературы:**

1. Пит Дадли, 2011, стр2.<https://lessonstudy.co.uk/wp-content/uploads/2013/07/Lesson-Study-Handbook-Russian.pdf> (дата обращения 20 января 2023)

УДК 371

**ЭЛЕКТИВНЫЙ КУРС «БИОИНФОРМАТИКА» – ОСНОВА УСПЕШНОГО  
САМООПРЕДЕЛЕНИЯ ШКОЛЬНИКОВ (ИЗ ОПЫТА РАБОТЫ)**

*Гаджиева Лариса Владимировна, магистр, педагог-мастер, учитель информатики, математики, КГУ «Общеобразовательная школа №6 отдела образования города Костаная» УОАКО, г.Костанай, Казахстан, E-mail: Lgadghi@mail.ru*

*Гаджиева Татьяна Александровна, педагог-модератор, учитель биологии, КГУ «Общеобразовательная школа №5 им.Б. Момышулы отдела образования города Костаная» УОАКО, г.Костанай, Казахстан, E-mail: tanushka\_17x@mail.ru*

**Аңдатпа**

Бағдарламаның өзектілігі қазіргі заманғы биологиялық, медициналық және инженерлік технологиялардың дамуына байланысты.

Бағдарламаның мақсаты: молекулалық деңгейдегі биологиялық жүйелерді зерттеу және модельдеу үшін ақпараттық технологияларды, мамандандырылған бағдарламалар пайдалану арқылы білім алушылардың шығармашылық және техникалық қабілеттерін дамыту үшін жағдайлар жасау.

**Түйінді сөздер:** биоинформатика, элективті курс, профильдеу.

**Аннотация**

Актуальность программы продиктована развитием современных биологических, медицинских и инженерных технологий.

Цель программы: создание условий для развития творческих и технических способностей обучающихся через использование информационных технологий, специализированных программ для исследования и моделирования биологических систем молекулярного уровня.

**Ключевые слова:** биоинформатика, элективный курс, профилизация.

### Abstract

The relevance of the program is dictated by the development of modern biological, medical and engineering technologies.

The aim of the program is to create conditions for the development of creative and technical abilities of students through the use of information technologies, specialized programs for research and modeling of biological systems of the molecular level.

**Key words:** bioinformatics, elective course, profiling.

Приоритетным направлением развития Республики Казахстан является повышение уровня человеческого капитала через предоставление возможностей получения качественного образования. Это, в первую очередь, касается подрастающего поколения, которое наиболее восприимчиво к инновациям. Основная задача учителя сегодня – не только научить обучающихся писать, считать, программировать, но и помочь каждому раскрыть свои возможности и способности, чтобы в будущем реализовать свой потенциал и уметь самосовершенствоваться.

Мы считаем, что все это возможно через введение элективных курсов, которые ориентированы на индивидуализацию обучения и социализацию обучающихся, готовят к осознанному и ответственному выбору сферы будущей профессиональной деятельности, расширяют и углубляют знания обучающихся, вырабатывают специфические умения и навыки, знакомят с новыми областями науки в рамках выбранного профиля, развивают ключевые компетенции.

Анализируя выбор предмета по выбору обучающимися 11 классов на итоговую аттестацию и ЕНТ, мы пришли к выводу, что 20-24% из них выбирают биологию и планируют связать свою дальнейшую профессиональную деятельность в той или иной степени с медициной.

Исходя из результатов анкетирования обучающихся и их родителей, нами была разработана программа элективного курса «Биоинформатика».

Содержание программы способствует развитию творческих способностей обучающихся, формированию и развитию информационно-компьютерных компетенций, развитию навыков softskills. В процессе изучения обучающиеся познакомятся с возможностями использования информационных технологий для анализа геномов, генетических последовательностей, выделения и исследования молекул биополимеров- ДНК, РНК и белков; учатся проводить реконструкцию и пространственное моделирование биомолекул; осуществлять теоретический и компьютерный анализ структурной и функциональной организации геномов и белков; работать с базами данных.

Новизна программы заключается в использовании современных информационных технологий для работы с большими массивами данных, позволяющими исследовать и моделировать различные биологические объекты и системы.

Актуальность программы продиктована развитием современных биологических, медицинских и инженерных технологий.

Цель программы: создание условий для развития творческих и технических способностей обучающихся через использование информационных технологий, специализированных программ для исследования и моделирования биологических систем молекулярного уровня.

Задачи программы:

- способствовать формированию знаний обучающихся об истории развития и современных достижениях отечественной и мировой науки и техники, ее создателях в области биоинформационных и биотехнологических направлений;
- формировать целостную научную картину мира;
- изучить приемы и технологии исследования и моделирования биологических систем;
- развивать у обучающихся техническое мышление, изобретательность, образное и пространственное мышление;
- стимулировать познавательную активность обучающихся посредством включения их в различные виды конкурсной деятельности;
- формировать ключевые компетенции обучающихся, востребованные современным уровнем развития общества;
- воспитывать самостоятельность в приобретении дополнительных знаний и умений;
- оспитывать чувство патриотизма, гражданственности, гордости за достижения отечественной науки и техники.

Программа построена на принципах системности, целостности, научности, доступности для обучающихся, практической направленности, учитываются возрастные и индивидуальные особенности обучающихся.

Сроки реализации: 1 год, программа рассчитана на 36 часов.

По окончании изучения курса «Биоинформатика» обучающиеся будут знать основные понятия биоинформатики и специфические особенности биоинформационных данных, компьютерные программы и языки программирования. Информационный архив (геном), принципы хранения и передачи генетической информации. Принципы выравнивания азотистых оснований ДНК. Анализ геномов (иерархическое представление), размеры геномов. Картографирование геномов (хромосомные карты), ДНК-маркеры. Проблемы анализа геномов. Локализация генов в геноме. Секвенирование. Структура белков. Диагностика болезней и риска заболевания. Проблемы расшифровки белковых структур. Знакомство с программами предсказания белков по химическим и физическим свойствам аминокислот. Проблемы в предсказании функций белков. Медицинская геномика и фармогенетика. Генная диагностика и генотерапия. Биологические модели генетических заболеваний. Иммуноинформатика. Строение ДНК, геном прокариот – кольцевая ДНК и плазмиды. Ферменты, ферменты метаболизма ДНК. Электрофорез (принципы разделения веществ в электрическом поле). Расчет реакционных смесей для получения нескольких фрагментов ДНК разной длины при использовании различных комбинаций ферментов рестрикции. Проведение рестрикции плазмидной ДНК и разделение фрагментов в агарозном геле. Принципы построения рестрикционной карты плазмидной ДНК. Ферменты, ферменты метаболизма ДНК. Репликация, принципы репликации, ферменты репликации ДНК, кофакторы, субстраты ДНК-полимеразы. Принципы ПЦР, принципы ПЦР-анализа.

По завершению курса обучающиеся смогут объяснить роль биоинформатики в формировании естественно научной картины мира, находить информацию в различных источниках (учебных текстах, справочниках, научно-популярных изданиях, компьютерных базах данных, ресурсах Интернет) и критически ее оценивать, использовать приобретенные знания и умения в практической деятельности. Использовать программу SnapGeneViewer для анализа структуры плазмидной ДНК, сайты рестрикции в последовательности ДНК, работать с базами данных NCBI, дизайном праймеров, осуществлять поиск последовательностей генов, картирование продуктов ПЦР на геном человека. Рассчитывать реакционные смеси для проведения ПЦР, программировать амплификатор, проводить ПЦР, разделять продукты ПЦР в агарозном геле. Планировать, проводить эксперимент, анализировать экспериментальные данные, интерпретировать результаты эксперимента.

На первый и второй модули программы «Введение в теорию биоинформатики», «Лабораторно-технологический» отводится 15 часов, основную часть материала выдает учитель биологии, учитель информатики, математики выступает больше в роли ассистента. При изучении этих модулей обучающиеся познакомятся с предметом биоинформатика, историей возникновения и развитием, специфическими особенностями биоинформационных данных, узнают цели и задачи биоинформатики. Кроме этого познакомятся с информационно-компьютерными компонентами биотехнологии, компьютерными программами и языками программирования. Узнают что такое IBION (машинезависимая законченная система биоинформатики). Познакомятся с основными интернет-компонентами биоинформатики. Изучат, какие данные относятся к биоинформационным, как передаются и хранятся (сети и базы). Что такое биологические последовательности, информационный архив (геном), принципы хранения информации, принципы выравнивания азотистых оснований на молекуле ДНК, точечные матрицы сходств выявляющих родство организмов, принципы классификации живых организмов его значение, ветвления, биоинформационный анализ как один из методов выявления филогенетического родства организмов. Уделят особое внимание таким темам как медицинская геномика и фармогенетика, иммуногенетика, генная диагностика и генотерапия, биологические модели генетических заболеваний.

На лабораторных занятиях учащиеся познакомятся со строением ДНК, геном прокариот – кольцевая ДНК и плазмиды, ферментами метаболизма ДНК. Узнают принципы разделения веществ в электрическом поле (электрофорез). Научатся рассчитывать реакционные смеси для получения нескольких фрагментов ДНК разной длины при использовании различных комбинаций ферментов рестрикции, принципы построения рестрикционной карты плазмидной ДНК. Репликация, принципы репликации, ферменты репликации ДНК, кофакторы, субстраты ДНК-полимеразы. Принципы ПЦР, принципы ПЦР-анализа. Дизайн праймеров. Геномика. Анализ геномов (иерархическое представление), размеры геномов. Картографирование геномов (хромосомные карты), ДНК-маркеры. Проблемы анализа геномов. Локализация генов в геноме. Секвенирование. Структура белков. Биоинформатика в медицине. Диагностика болезни и риска заболевания. На изучение третьего модуля «Информационно-технологический» отводится 11 часов, при его изучении учитель биологии выступает в роли ассистента. Основная часть этого модуля отводится на изучение программ, предназначенных для расшифровки белковых структур, предсказания белков по химическим и физическим свойствам аминокислот.

Обучающиеся познакомятся с методами биоинформатики, их возможностями накапливать и интегрировать в банки данных экспериментальную информацию, осуществлять ее компьютерный анализ, проводить математическое моделирование структурно-функциональной организации живых

систем, предсказывать новые свойства живых систем, на этой основе планировать новые этапы экспериментальных исследований.

Обучающиеся знакомятся с базами и банками данных, базовых пакетов, программных средств для полного анализа макромолекул в биоинформатике с их адресами в Интернете:

GenBank – <http://www.ncbi.nlm.nih.gov/GenBank> – банк данных по нуклеотидным последовательностям (3400000000 пар оснований в 461000 последовательностей).

SWISS-PROT – <http://www.expasy.ch/sprot/sprot-top.htm> – аннотированный банк данных по аминокислотным последовательностям белков.

PIR – <http://www.nbrf.georgetown.edu/pir/searchdb.html> – аннотированный банк данных по аминокислотным последовательностям белков, организованных в соответствии с гомологией и таксономией.

PDB – <http://www.rcsb.org/pdb/> – банк данных по 3D структуре биологических макромолекул.

NDB – <http://ndbserver.rutgers.edu> – банк данных по нуклеиновым кислотам. Включает структуры ДНК и РНК вместе с их 3-хмерными изображениями. Структуры хранятся в формате «pdb» и могут быть визуализированы программой RasMol([www.rasmol.org](http://www.rasmol.org)).

ProDom – <http://protein.toulouse.inra.fr/prodom.html> – банк данных по доменам белков.

NCBI – [www.ncbi.nlm.nih.gov](http://www.ncbi.nlm.nih.gov) – крупнейший биоинформатический веб-сайт, предоставляющий доступ к базам данных белковых и нуклеотидных последовательностей, экспрессии генов, мутаций, эволюции генных семейств. Выбор конкретной базы осуществляется в поле «Search». EMBL-EBI – [www.ebi.ac.uk](http://www.ebi.ac.uk) – веб-сайт Европейского биоинформатического института, содержащий широкий круг баз данных аналогичный NCBI. Помимо баз данных сайт предоставляет доступ к наиболее популярным биоинформатическим программам для анализа данных (BLAST, ClustalW, Muscle, GeneWise).

PubMed- [www.pubmed.org](http://www.pubmed.org) – крупнейшая база данных научных публикаций по биологии и медицине. Для всех статей доступны открытые аннотации.

GeneCards – [www.genecards.org](http://www.genecards.org) – содержит краткое описание всех известных генов человеческого организма, их названия по разным номенклатурам, последовательности, хромосомную локализацию, особенности устройства, список тканей, в которых конкретные гены активны.

InternationalHarMapProject – [www.harmap.org](http://www.harmap.org) – база данных международного проекта по обнаружению распространённых мутаций (полиморфизмов) в человеческом геноме.

Web-серверы, предоставляющие пользователю генетическую информацию, оснащены комплексом программных средств для поиска информации в банках данных и анализа нуклеотидных и аминокислотных последовательностей. В качестве запросов при поиске последовательностей в банках данных могут использоваться номенклатурные названия генов, организмов, ключевые слова и др.

Обучающиеся знакомятся с программой AutoDok, которая является программой для автоматического докинга. С ее помощью можно посмотреть, как молекулы лекарств или кандидатов на роль лекарств взаимодействуют в известной 3D-структуре. В частности, программа применяется для разработки лекарств, специфически связывающихся с тем или иным белком.

Для сравнения аминокислотных и нуклеотидных последовательностей обучающиеся научатся использовать:

ACT – (ArtemisComparisonTool) – геномный анализ;

Arlequin – анализ популяционно-генетических данных;

BioEdit – редактор множественного выравнивания аминокислотных и нуклеотидных последовательностей;

BioNumerics – коммерческий универсальный пакет программ по биоинформатике;

BLAST – поиск родственных последовательностей в базе данных аминокислотных и нуклеотидных последовательностей;

ClustalW – множественное выравнивание аминокислотных и нуклеотидных последовательностей;

FASTA – набор алгоритмов определения схожести аминокислотных и нуклеотидных последовательностей;

Mesquite – программа для сравнительной биологии на языке Java;

Muscle – множественное сравнение аминокислотных и нуклеотидных последовательностей.

Более быстрая и точная программа в сравнении ClustalW;

PopGene – анализ генетического разнообразия популяций;

Populations – популяционно-генетический анализ.

Примером интегрированного инструмента биолога является также Unipro UGENE. Это свободно распространяемое программное обеспечение для работы молекулярного биолога. Пользовательский интерфейс этого продукта обеспечивает: простую и удобную работу с последовательностями; визуализацию хроматограмм; использование редактора множественного выравнивания последовательностей; просмотр трехмерных моделей PDB и MMDB с поддержкой

стереорежима, просмотр филогенетических деревьев; применение конструктора вычислительных схем, автоматизирующего процесс анализа, поддержку сохранения изображений в векторные форматы для удобства публикаций.

ChemSketch- программа позволяет легко и быстро рисовать сложные химические формулы – <http://www.aediabs.com/download/>;

RasMol – программа для визуализации молекул белков и нуклеиновых кислот - [http://rasmolLorg/RasWin\\_Latest\\_Instalier/exe](http://rasmolLorg/RasWin_Latest_Instalier/exe).

Четвертый модуль «Проектно-исследовательский» (10 часов предусмотрены на консультации)-сквозной. Осуществляется в течение всего года и включает индивидуальную и командную работу в течение всего года.

Для реализации программы курса используются разнообразные формы организаций занятий: интерактивные мини-лекции; лабораторно-практические работы; мозговой штурм; мини-семинары; учебная конференция, творческие лаборатории, мастер-классы, индивидуальные консультации и самостоятельная работа обучающихся.

В завершении необходимо отметить, что основной акцент в курсе сделан на развитие компетенций 21 века, к которым относятся креативное и критическое мышление, коммуникация и командная работа. Это универсальные компетенции, которые обеспечивают формирование и реализацию человеком своих профессиональных знаний, умений и навыков, востребованных современным обществом.

#### Список литературы:

1. Огурцов А.Н., Основы биоинформатики: учеб.пособие [текст]/ А.Н.Огурцов. – Х.: НТУ «ХПИ», 2013. 400с.
2. Несговорова Г.П. Биоинформатика: пути развития и перспективы. – С.71-86.
3. Ивлиев А.Е., Попова Н.В., Чистяков Д.В., Сергеева М.Г.Проблемы современной биологии (биоинформатика- первые шаги). Учеб. Метод. пособие. М.ЦРИДУ, Зимородок, 2008 – 56с.
4. Юнкеров, В. И. Математико-статистическая обработка данных медицинских исследований / В. И. Юнкеров, С. Г. Григорьев. СПб. : ВМедА, 2002. 266 с.

#### УДК 711.7

#### К ПРОБЛЕМЕ СОЦИАЛИЗАЦИИ ДОШКОЛЬНИКОВ В СОВРЕМЕННЫХ УСЛОВИЯХ

*Грудупс Ксения Яновна, заместитель директора по НМР, учитель истории, КГУ «Школа-лицей №1 отдела образования города Костаная» Управления образования акимата Костанайской области, г.Костанай, Казахстан, E-mail: grudups\_kseniya@mail.ru*

*Шитягина Ольга Александровна, учитель начальных классов, КГУ «Школа-лицей №1 отдела образования города Костаная» Управления образования акимата Костанайской области, г.Костанай, Казахстан, E-mail: saifulina0209@mail.ru*

*Калинина Ирина Алексеевна, учитель начальных классов, КГУ «Школа-лицей №1 отдела образования города Костаная» Управления образования акимата Костанайской области, г.Костанай, Казахстан, E-mail: irina-kalinina-74@mail.ru*

#### Аңдатпа

Бұл мақала қазіргі мектеп жасына дейінгі баланың жалпыланған «педагогикалық» портретін құрастыруға арналған, оның дамуы жүріп жатқан заманауи элеуметтік жағдайдың күшті және әлсіз жақтарын көру және талдау.

**Түйінді сөздер:** қазіргі өркениет, ата-аналар, тәрбиешілер, балалар субмәдениеті, мектеп жасына дейінгі

#### Аннотация

Данная статья посвящена составлению обобщенного «педагогического» портрета современного дошкольника, с целью, чтобы увидеть и проанализировать сильные и слабые стороны современной социальной ситуации, в которой протекает его развитие.

**Ключевы еслова:** современная цивилизация, родители, воспитатели, детская субкультура, дошкольник.

#### Abstract

This article is devoted to compiling a generalized "pedagogical" portrait of a modern preschooler, in order to see and analyze the strengths and weaknesses of the modern social situation in which his development takes place.